INGENIEUR BIO-INFORMATIQUE

Offre d'emploi d'Université de Paris, Faculté de Pharmacie

Cadre de l'offre d'emploi
Catégorie A, BAP A, Corps IR-IE
Emploi-type REFERENS
Ingénieur bioinformatique – A2A41
Durée du contrat (si poste ouvert aux contractuels)
24 mois
Date de la publication
XX/XX/XXXX
Date souhaitée de prise de fonction
01/03/2021
Localisation du poste
Faculté de pharmacie
Contact
drh.recrutement@u-paris.fr

REJOINDRE L'UNIVERSITÉ DE PARIS

Ancrée au cœur de la capitale, Université de Paris figure parmi les établissements français et internationaux les plus prestigieux grâce à sa recherche de très haut niveau, ses formations supérieures d'excellence, son soutien à l'innovation et sa participation active à la construction de l'espace européen de la recherche et de la formation.

Labellisée Idex depuis mars 2018, Université de Paris s'appuie sur ses enseignants, ses chercheurs, ses enseignants-chercheurs, ses personnels administratifs et techniques, ses étudiants, pour développer des projets scientifiques à forte valeur ajoutée, et former les hommes et les femmes dont le monde de demain a besoin.

Des sciences exactes et expérimentales aux sciences humaines et sociales, en passant par la santé, Université de Paris a fait de l'interdisciplinarité un marqueur fort de son identité.

Elle compte aujourd'hui 64 000 étudiants, 7 500 personnels, 138 laboratoires, répartis au sein de ses trois grandes Facultés en Santé, Sciences et Société et Humanités et de l'institut de physique du globe de Paris.

Rejoindre Université de Paris c'est faire le choix de l'exigence et de l'engagement au service de valeurs fortes ; celles du service public, de la rigueur scientifique et intellectuelle mais aussi de la curiosité et de l'ouverture aux autres et au monde.

RÉSUMÉ DU POSTE

Un poste d'ingénieur en bioinformatique est à pourvoir dans une équipe de biologiste expérimentaux. En s'intégrant à un projet pluridisciplinaire visant à mieux comprendre et prédire la structure des ARN, l'ingénieur devra organiser et rationaliser les données (séquençage, structure), faciliter l'utilisation de méthodes d'analyse et développer des pipelines automatisés. Il sera également chargé d'analyse bioinformatique de séquences d'acide nucléique en utilisant des logiciels disponibles.
Le poste ouvert est un poste de 24 mois avec un salaire brut de 2550 €/mois

PRÉSENTATION DE LA DIRECTION/STRUCTURE D'ACCUEIL DU POSTE

L'équipe est basée au centre de Paris, à la Faculté de pharmacie près du Jardin du Luxembourg. Elle fait partie de l'Unité pluridisciplinaire "Cibles Thérapeutiques et Conception de Médicaments" du CNRS/Université de Paris qui regroupe des biologistes, des biochimistes, des biologistes structuraux, des physiciens, et des chimistes organiciens. Le Groupe « Structure et traduction des ARN viraux » s'intéresse à la traduction des virus et notamment du VIH, il comprend cinq chercheurs et professeurs permanents, un post-doctorant et deux doctorants.

Missions de l'UMR8038

La mission de l'UMR 8038 est de mener une recherche fondamentale de qualité en amont du développement de thérapeutiques innovantes et de médicaments.

MISSIONS ET ACTIVITÉS

Missions du poste

Le travail de l'ingénieur à recruter s'inscrit dans un projet pluridisciplinaire visant à mieux comprendre et prédire les structures tridimensionnelles adoptées par les ARN. Pour ce faire nous nous baserons sur une analyse statistique des séquences (Laboratoire de physique de l'ENS), sur la production de données biochimiques expérimentales (notre laboratoire), sur une approche combinatoire ainsi que sur des algorithmes d'apprentissage machine (LIX – Ecole polytechnique). Ce projet nécessite le traitement de grand volumes de données de séquençages et leur analyse par des méthodes bio-informatiques développées par nos partenaires. Le rôle de l'ingénieur consistera à organiser et rationnaliser les données, à faciliter l'utilisation des méthodes informatiques, et à automatiser l'analyse des données.

Encadrement

Ce travail sera réalisé en interaction avec les expérimentateurs, utilisateurs finaux des outils développés. Il demandera également beaucoup d'interaction avec nos partenaires développant les méthodes bio-informatiques. L'ingénieur sera encadré par le responsable de l'équipe, B.Sargueil.

Activités principales

- Organisation et rationalisation des données
- Développement de scripts pour l'analyse des données
- Développement d'outils pour faciliter l'utilisation des méthodes bio-informatiques
- Automatisation de l'analyse des données
- Analyses bio-informatique de séquence (utilisation de logiciels de bio-informatique disponibles)

PROFIL RECHERCHÉ

Diplôme souhaité : Master 2 en bio-informatique ou équivalent et préférentiellement quelques années d'expérience

Compétences et aptitudes professionnelles requises

Connaissances :

- Maitrise de Python
- Logiciels d'analyse et d'alignement de séquences
- Snakemake (souhaitable)

Savoir-faire :

- Organiser des données
- Organiser des workflows
- Travailler en équipe
- Capacité à transmettre des savoir-faire et à conseiller les utilisateurs

Savoir-être :

- Sens de l'organisation
- Bon relationnel
- Disponibilité

- Autonomie

Formation et expérience nécessaires

- Diplôme souhaité Master 2 en bio-informatique ou équivalent – de préférence quelques années d'expérience

MODALITES DE CANDIDATURE

Poste ouvert aux agents titulaires de la fonction publique (détachement/mutation) et aux agents non titulaires.
Pour proposer votre candidature, envoyez votre dossier complet (CV et lettre de motivation) par mail à drh.recrutement@u-paris.fr